

# 分析次世代定序 “大” 資料的 “好” 辦法

👉 台中場:

時間: 2014年2月11日 (星期二)

地點: 台中中國醫藥大學 立夫教學大樓101講堂

Time	Content	Speaker
13:00~13:10	整合性基因體分析委員會的簡介與服務	
13:10-13:40	核心設施經驗談: 大資料分析的困境與突破	黃彥華 博士 台灣生物資訊聯盟
13:40-14:00	哇塞! 我家也有台超級電腦! NGS 分析雲端服務介紹	王聿泰 助理研究員 國網中心
<b>大資料好好~算</b>		
14:00-14:20	HiPipe: NGS分析軟體中的高速鐵路	姚文萱 研究技師 國家基因體醫學中心
14:20-14:40	瀏覽器就是我的NGS分析平台~ 國網中心GALAXY平台使用介紹	葉昌偉 副研究員 國網中心
14:40-15:00	Break	
<b>大資料好好~看</b>		
15:00-17:20	瀏覽NGS分析資料的互動式工具- IGV安裝與使用	劉傳崑 資深經理 國家基因體醫學中心
17:20-17:40	國網中心NGS軟體服務平台- 遠端IGV瀏覽器簡介	黃介璋 佐理研究員 國網中心
17:40-17:50	O&A	

□指導單位: 生技醫藥國家型科技計畫、生技醫藥國家型科技計畫辦公室

□主辦單位: 整合性基因體分析技術管理組

□協辦單位: 中國醫藥大學研究發展處、高雄醫學大學醫學研究部、國立交通大學生物科技學系、C1-高通量基因體分析核心設施、C2-國家基因體醫學研究中心、C5-整合性功能基因體核心設施、E2-台灣生物資訊核心設施、E3-台灣生物資訊聯盟、國家實驗研究院高速網路與計算中心